摘要题目 (中文：宋体,英文和数字：Times New Roman， 三号字, 加粗, 居中)

**作者1 , 通讯作者2\* (宋体, 小四号字,加粗)**

1单位1 (宋体, 五号字,斜体)

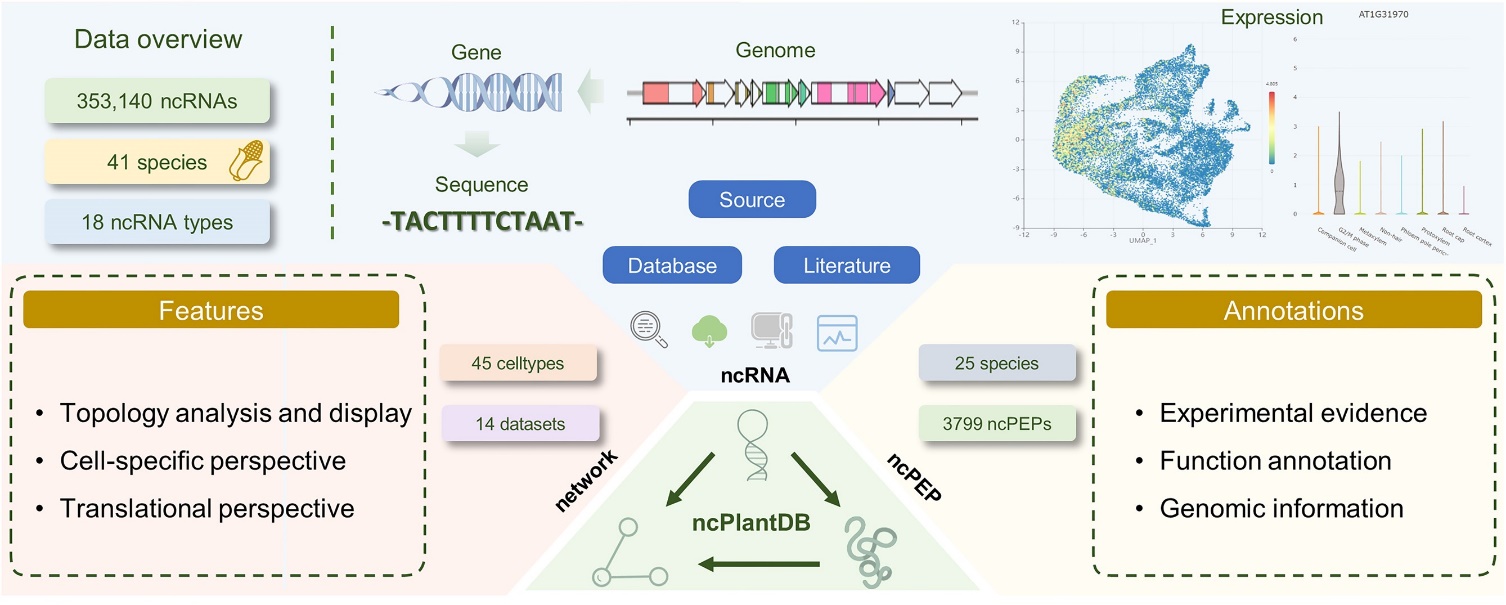
2单位2

Email：

近年来，植物非编码RNA（ncRNA）领域取得了显著进展，许多ncRNA被认为是植物发育和逆境响应过程中基因表达的重要调控因子。此外，这些ncRNA的编码潜力，以及由此产生的ncRNA编码肽（ncPEP），已成为一个重要的研究领域。然而，现有的植物ncRNA数据库缺乏关于ncRNA编码肽（ncPEP）及其细胞类型特异性相互作用的全面信息。为了弥补这一空白，我们推出了ncPlantDB（https://bis.zju.edu.cn/ncPlantDB），这是一个整合了43个植物物种ncRNA和ncPEP数据的综合数据库。ncPlantDB包含353 140个ncRNA、3799个ncPEP和4 647 071个相互作用，这些数据来源于现有数据库和文献挖掘。**（中文：**宋体, **英文和数字：**Times New Roman，小四号字, 1.5倍行距**）**

**关键词：（中文：**宋体, **英文和数字：**Times New Roman，小四号字, 1.5倍行距**）**

**【图摘要】**（可选）

****